

测序试剂升级 华大智造全平台数据质量** 提升至Q40 (85%*)

踏上前所未有的 测序精准之旅

具有超过 85%* 的高 Q40 质量得分，配合低复制率和减少的标签跳跃，显著提高了对 SNP (单核苷酸多态性) 和 InDels (插入 / 缺失) 检测的精准度和灵敏度。

最大程度提升效率 减少使用数据量

即使在较少的原始数据情况下，也能获得高质量的结果。通过减少单个样本的测序数据量，从而提升您的实验性价比。

通过采用华大智造 DNBSEQ™ 技术，结合全新一代的 StandardMPS 2.0 测序试剂，我们成功将测序质量提升至 Q40 (99.99%)。这一升级使得在测序过程中，碱基质量得分达到或超过 Q40 的比例高达 85% 以上。用户能够在高质量的测序数据基础上，更准确地鉴定单碱基变异 (SNPs) 和插入缺失变异 (InDels)，并得到更小的错误率波动，从而获得准确可靠的结果。新一代 StandardMPS 试剂将为科研和临床应用提供更可靠高效的解决方案，助力用户在基因组学研究中取得更为精准的数据。

提升灵敏度 揭示微小变异的隐藏密码

体验卓越的灵敏度，将罕见突变检测下限继续探索到 0.1%，可以识别可能被忽略的变异，特别有助于需要高灵敏度的应用如液体活检，MRD (微小残留病) 等应用。

拥抱全面的一站式解决方案 满足您所有的需求

支持适配三种接头的文库
无需手动更换测序引物，省时省力。



*Q40(>85%) 是指 PE150 及以下读长的测序质量

** 本次数据仅在 DNBSEQ-G99, DNBSEQ-G400 和 DNBSEQ-T7 平台展示，如需了解其他平台的 Q40 表现和计划，请联系当地销售人员。

技术特点



DNA 聚合酶和 MDA 酶优化

通过不断地筛选与测试，采用具有更高聚合效率的 DNA 聚合酶以及拥有更好二链置换功能的 MDA（多重置换扩增）酶，有效地提高了原始信号强度和稳定性。



dNTP 优化

通过优化 dNTP 上的荧光染料，降低碱基之间 crosstalk，提升碱基识别的准确度。



Q 值表优化

采用更接近真实预估的数据对 Q 值表进行训练，利用高保真酶和 PCR-Free 建库方法，降低了上游实验的错误率引入的偏差。通过更准确的模型训练，提高了数据的解读精度，确保测序结果更符合实际情况。

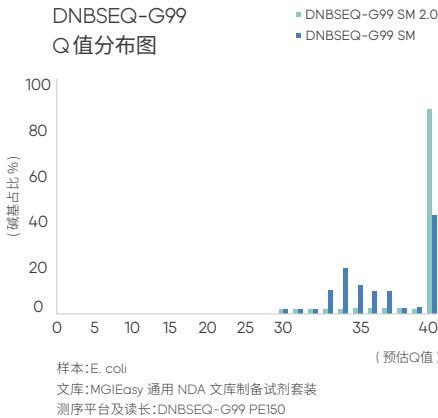
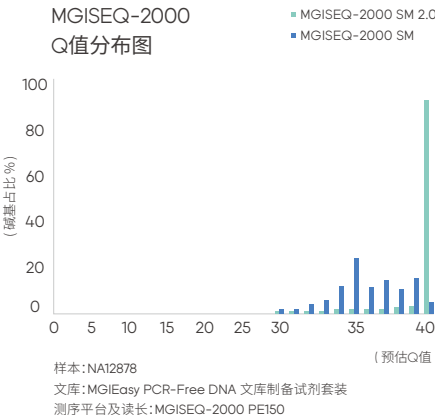
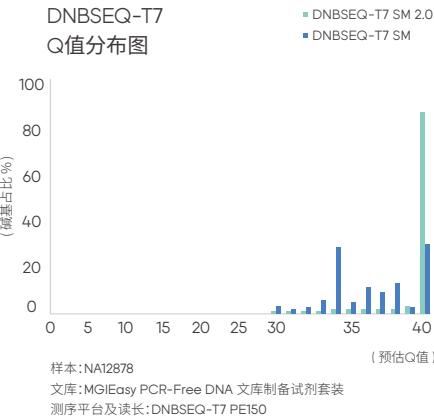
DNBSEQ-G99
MGISEQ-2000
DNBSEQ-T7

Q40 > 85%*

* 此质量值涵盖 PE150 及以下读长

华大智造测序平台

数据提升结果



通过比较不同 DNBSEQ™ 平台的 Q 值分布，我们可以看到 StandardMPS 2.0 (SM 2.0) 在测序质量上相较于早期的 StandardMPS (SM) 有了显著的提升。具体来说，在 SM 2.0 平台上，Q40 或更高的碱基比例超过了 85%。这一数据明显展示了 StandardMPS 2.0 (SM 2.0) 在测序质量方面的卓越性能，呈现出更优越的 Q 值分布特性。

*Q40(>85%) 是指 PE150 及以下读长的测序质量

深圳华大智造科技股份有限公司

深圳市盐田区北山工业区综合楼11栋
股票代码：688114
版本号：2024年2月版 MGPDP2002201

官网：mgi-tech.com
邮箱：MGI-service@mgi-tech.com
电话：4000-688-114

版权声明

本手册版权属于深圳华大智造科技股份有限公司所有，未经本公司书面许可，任何其他个人或组织不得以任何形式将本手册中的各项内容进行复制、拷贝、编辑或翻译为其他语言。本手册中所有商标或标识均属于深圳华大智造科技股份有限公司及其提供者所有。



官方微信



官方网站